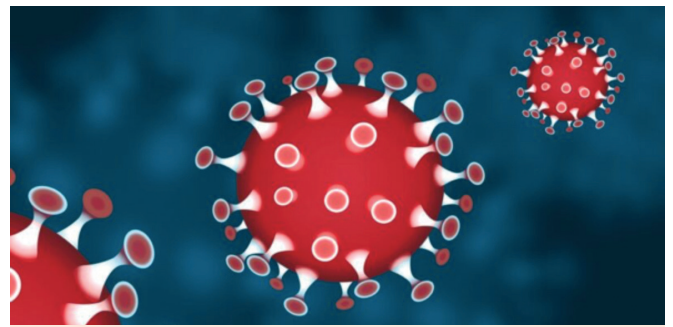


## SARS-CoV-2 Genom-Sequenzierung



Die molekulargenetische Detektion von SARS-CoV-2 Varianten ist essentiell im Rahmen der Pandemie-Bekämpfung. Sie erlaubt die Beobachtung der Ausbreitung von Variants of Concern (VOC) und dient zu deren Eindämmung.

Die Ganz-Genom-Sequenzierung liest die gesamte Sequenz aller Gene von SARS-CoV-2. Das Virus kann damit eindeutig einem phylogenetischen Stamm zugeordnet werden. Sequenzierverfahren sind daher der Goldstandard für die zweifelsfreie Zuordnung von Virusvarianten in unklaren Fällen und für die Identifikation von neuen, bisher unbekanntem Varianten.



### Indikation

- SARS-CoV-2 Reinfektion
- SARS-CoV-2 Infektion nach Impfung
- Verdacht auf Vorliegen einer besorgniserregenden Variante

### Material

Nasopharyngeal-Abstrich, Speichel

### Methode

NGS (Illumina-Plattform)

### Ihre Ansprechpartner



**Dr. rer. nat. Dieter von Au**  
FAMH medizinische Genetik  
Telefon: 044 269 99 83

...und Ihre Partnerlabors